

CANCERTYPE 癌症風險基因檢測

Genetic Testing for Cancer Risk

基因檢測導向 癌症及早預防



為了你一生健康 及早進行檢測

CANCER RISK FOR YOUR TYPE

癌症風險可預測

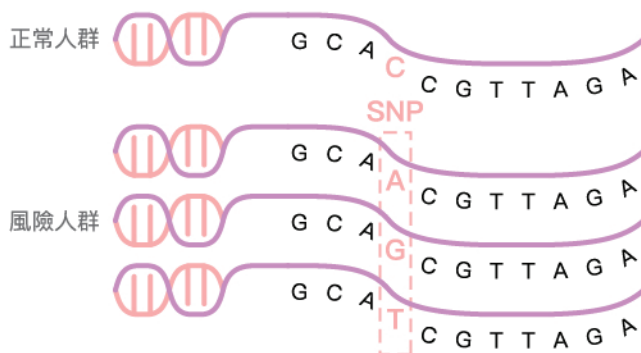
癌症的發病率及死亡率持續上升。根據中國腫瘤登記年報，每年新癌症病例約為429萬例，平均每分鐘有8人被確診患上癌症。癌症的高死亡率部份原因是由於遲發現。我們的基因型決定了我們的體質及身體的反應，從而使我們對癌症的傾向性產生差異。如攜帶高風險基因，患癌風險會比一般人群較高。

CancerType幫助你及早了解自身基因，根據你攜帶的易感基因的狀況，顯示患上相關癌症的風險或傾向性，提供生活及預防建議，協助你針對結果定制健康方案，減低患病的可能性，展開個人化健康生活。

每個人的癌症風險都不同

人與人之間的基因約有99.9%是相同的，但有0.1%不同。這0.1%的基因稱為SNP(Single Nucleotide Polymorphism)，而SNP的不同會導致有些人比正常人有更高風險罹患某種癌症。

什麼是SNP?



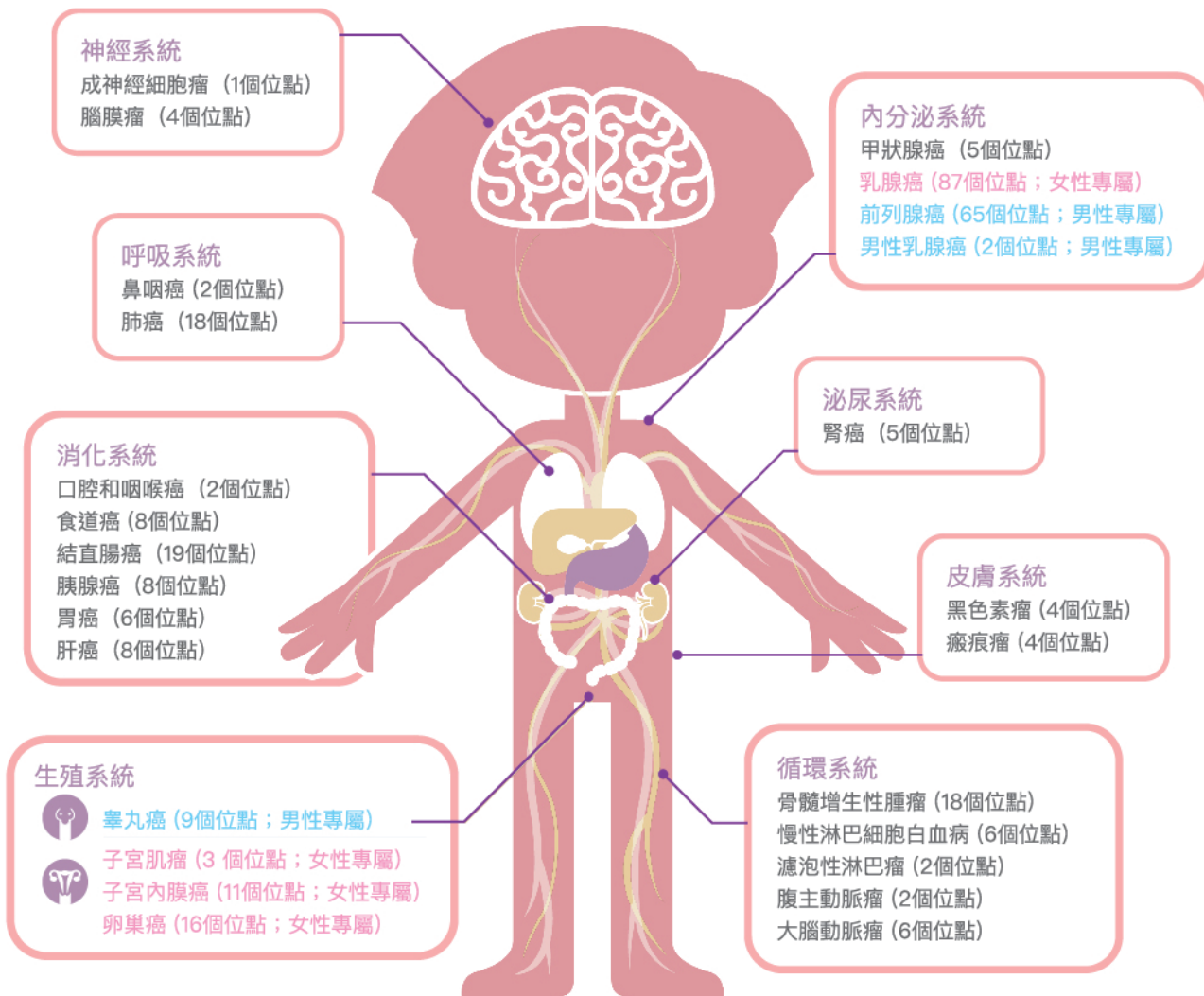
SNP 位點，改變了原有基因的序列，一些 SNP 與癌症及疾病風險有密切關係。

產品優勢

- ✓簡單：6mL血液樣品，或口腔細胞
- ✓全面：檢測全身8個系統，26種不同癌症的風險，共321個位點
- ✓專業：
 - 檢測個人與癌症相關的基因型
 - 提示與正常人群比較的患癌風險
 - 提供健康生活建議，協助減低高風險人群患癌風險

檢測內容

8個系統 26種癌症 (男性22種癌，女性24種癌症)



癌症預防勝於治療

癌症高風險人群在癌症未發生前，可盡量改善生活方式，及定期進行身體檢查，定制預防措施，降低患癌機會，並預早發現早期的癌症。

適合對象

- 注重健康人士
- 擔心自己是癌症高風險人群的人士
- 有不良生活習慣或在污染環境中生活的人士
- 擔心自身攜帶高風險癌症基因的人士

樣品需求

- 3–6mL 血液 (EDTA 管) ; 或
- 口腔細胞

報告周期

- 25–30 個工作日

檢測流程



參考文獻

1. Choi J, Ha Park S, Kim K et al. Polymorphisms in the epidermal growth factor receptor gene and the risk of primary lung cancer: a case-control study. *BMC Cancer*. 2007; 7(1).
2. Deng N, Zhou H, Fan H, Yuan Y. Single nucleotide polymorphisms and cancer susceptibility. *Oncotarget*. 2017; 8(66): 110635–110649. Published 2017 Nov 7.
3. Kaklamani V, Wisinski K, Sadim M et al. Variants of the adiponectin (ADI-POQ) and adiponectin receptor 1 (ADIPOR1) genes and colorectal cancer risk. *JAMA*. 2008; 300(13): 1523.
4. Tomlinson IP, Carvajal-Carmona LG, Dobbins SE, et al. Multiple common susceptibility variants near BMP pathway loci GREM1, BMP4, and BMP2 explain part of the missing heritability of colorectal cancer. *PLoS Genet*. 2011; 7(6): e1002105.
5. Went M, Sud A, Försti A et al. Identification of multiple risk loci and regulatory mechanisms influencing susceptibility to multiple myeloma. *Nat Commun*. 2018; 9(1).
6. Ju H, Lim B, Kim M et al. SERPINE1 intron polymorphisms affecting gene expression are associated with diffuse-type gastric cancer susceptibility. *Cancer*. 2010; 116(18): 4248–4255.
7. Dobbins S, Broderick P, Melin B et al. Common variation at 10p12.31 near MLLT10 influences meningioma risk. *Nat Genet*. 2011; 43(9): 825–827.
8. Chang J, Zhong R, Tian J et al. Exome-wide analyses identify low-frequency variant in CYP26B1 and additional coding variants associated with esophageal squamous cell carcinoma. *Nat Genet*. 2018; 50(3): 338–343.
9. Turnbull C, Rapley EA, Seal S, et al. Variants near DMRT1, TERT and ATF7IP are associated with testicular germ cell cancer. *Nat Genet*. 2010;42(7): 604–607.



www.idnarc.com

香港尖沙咀山林道 7 號漢國佐敦中心 16 樓
16/F, Hon Kwok Jordan Centre, 7 Hillwood Road, Tsim Sha Tsui, HK

Tel: (852)3618 9124